

Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : MAALLOUL Moncef
Elevage : 23554
Demandeur : MAALLOUL Moncef
Organisation : PRO
Préleveur : PASQUET Isabelle (17515)

MAALLOUL Moncef
 137 rue OBERKAMPF
 75011 PARIS

Date de prélèvement : 13/12/2021
Nombre de prélèvements : 1
Espèce : CHAT
Date de naissance : 21/12/2020

Date de réception : 15/12/2021
Nature des prélèvements : Buccal (brossette)
Race : MCO - Maine Coon
Sexe : Femelle

Remarques : LOOF2021 8555

Identification génétique par ADN


Date d'exécution : 17/12/2021

Identification : RADISSON OF MAINE S FAIRIES/250269590438617 - Code ADN : FC50390									
FCA026	FCA069	FCA075	FCA105	FCA149	FCA201	FCA220	FCA229	FCA293	FCA310
150/150	107/107	132/136	175/203	122/128	143/155	214/214	168/168	179/179	136/136
FCA441	FCA453	FCA649	FCA678	ZSRY					
151/159	188/188	126/126	190/198	X/X					

L'identification génétique est réalisée par PCR (méthode ANAACR05) à l'aide de 15 marqueurs microsatellites, indiqués dans le tableau de résultats ci-dessus, validés scientifiquement au niveau international par l'ISAG (International Society for Animal Genetics). Ce panel de marqueurs répond à la version ISAG 2006 v2.1. Pour chaque marqueur, l'animal possède deux allèles symbolisés par des nombres. Une identification génétique ne peut être considérée comme valide et ne peut être transmise que si le nombre de marqueurs microsatellites génotypés est égal à un minimum de 9 marqueurs dont 8 du core panel.

Carte d'identité génétique / Genetic identity card

PHOTO



Code ADN : FC50390


Nom : RADISSON OF MAINE S FAIRIES

Identification : 250269590438617

Race : MCO:Maine Coon

Sexe : Femelle

Date de naissance : 21/12/2020



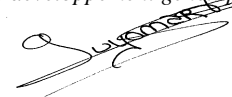
Genindexe
La Génétique à votre service

FCA026	150/150	FCA069	107/107	FCA075	132/136	FCA105	175/203
FCA149	122/128	FCA201	143/155	FCA220	214/214	FCA229	168/168
FCA293	179/179	FCA310	136/136	FCA441	151/159	FCA453	188/188
FCA649	126/126	FCA678	190/198	ZSRY	X/X		

Certificat d'analyse d'identification génétique- ANAACR 01 EN 02-
 date:17/04/2013 - I.R.:01
 Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
 La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé
 photographique intégral.

Fait à Loudéac, le 20/12/2021

Anne-Sophie Guyomard
 Chargée de développement génétique et génomique



Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : MAALLOUL Moncef	MAALLOUL Moncef
Elevage : 23554	
Demandeur : MAALLOUL Moncef	137 rue OBERKAMPF
Organisation : PRO	
Préleveur : PASQUET Isabelle (17515)	75011 PARIS
Date de prélèvement : 13/12/2021	Date de réception : 15/12/2021
Nombre de prélèvements : 3	Nature des prélèvements : Buccal (brossette)
Espèce : CHAT	Race : MCO - Maine Coon

Filiation - contrôle de parenté

Date d'exécution : 20/12/2021

Mère(s) présumée(s)	Compatibilité(s)
FC35996 ZUZANNA PP TASSEL MAGIC 643094100588736 - né(e) le 05/02/2020	...
Père(s) présumé(s)	Compatibilité(s)
FC27943 PRINCE PHOENIX OF MAINE S FAIRIES 250269100044905 - né(e) le 21/12/2019	...
Produit(s)	Compatibilité(s)
FC50390 RADISSON OF MAINE S FAIRIES 250269590438617 - Femelle - né(e) le 21/12/2020 LOOF2021 8555	Compatible avec le(s) parent(s) FC35996, FC27943

Règles d'interprétation (protocole de coopération LOOF-GENINDEXE/ méthode interne ANAACR 05):

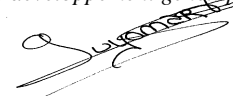
- Une filiation ne peut être interprétée que lorsque le nombre de marqueurs microsatellites génotypés communs entre le descendant et ses parents est au minimum égal à 8 du core panel.
- Une filiation est incompatible lorsqu'au moins deux marqueurs ne respectent pas les lois de la transmission héréditaire. Première loi : un produit doit avoir reçu un allèle de chacun de ses deux parents. Deuxième loi : un parent doit avoir transmis l'un de ses deux allèles à son produit.

Certificat d'analyse de filiation-contrôle de parenté - ANAACR 01 EN 03 -
date:17/04/2013 - I.R.:01

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé
photographique intégral.

Fait à Loudéac, le 20/12/2021

Anne-Sophie Guyomard
Chargée de développement génétique et génomique



Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : MAALLOUL Moncef	MAALLOUL Moncef
Elevage : 23554	
Demandeur : MAALLOUL Moncef	137 rue OBERKAMPF
Organisation : PRO	
Préleveur : PASQUET Isabelle (17515)	75011 PARIS
Date de prélèvement : 13/12/2021	Date de réception : 15/12/2021
Nombre de prélèvements : 1	Nature des prélèvements : Buccal (brossette)
Espèce : CHAT	Race : MCO - Maine Coon
Date de naissance : 21/12/2020	Sexe : Femelle

Remarques : LOOF2021 8555

Pyruvate Kinase Deficiency (Pkdef)

Date d'exécution : 17/12/2021

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC50390 Nom : RADISSON OF MAINE S FAIRIES Puce : 250269590438617	LOOF2021 8555	NORMAL (+/+)

La présence de la mutation *c.693+304G>A* présente sur le gène *PKLR* est recherchée.

Cette mutation est responsable du Déficit en pyruvate kinase (PKDef) chez les chats de races : Abyssin/Somali, Bengal, Mau Egyptien, LaPerm, Maine Coon, Norvégien, Savannah, Sibérien, Singapura, Ocicat, Domestic longhair et shorthair.

Cette mutation se transmet de manière autosomique récessive ; Seuls les individus ayant reçu 2 allèles mutés (génotype -/-) sont considérés comme atteints par la maladie. Les individus ayant reçu un seul allèle muté (génotype +/-) sont considérés comme porteur de la maladie - ils ne développeront pas la maladie mais ont 50% de chance de transmettre héréditairement la mutation à leurs descendants. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.

NORMAL (+/+): animal homozygote normal, non porteur de la mutation

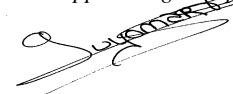
PORTEUR (+/-): animal hétérozygote porteur de la mutation

ATTEINT (-/-): animal homozygote atteint

Fait à Loudéac, le 20/12/2021

Anne-Sophie Guyomard

Chargée de développement génétique et génomique



Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.

La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : MAALLOUL Moncef	MAALLOUL Moncef
Elevage : 23554	137 rue OBERKAMPF
Demandeur : MAALLOUL Moncef	75011 PARIS
Organisation : PRO	
Préleveur : PASQUET Isabelle (17515)	
Date de prélèvement : 13/12/2021	Date de réception : 15/12/2021
Nombre de prélèvements : 1	Nature des prélèvements : Buccal (brossette)
Espèce : CHAT	Race : MCO - Maine Coon
Date de naissance : 21/12/2020	Sexe : Femelle
Remarques : LOOF2021 8555	

Cardio-Myopathie Hypertrophique (HCM-MC)

Date d'exécution : 17/12/2021

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC50390 Nom : RADISSON OF MAINE S FAIRIES Puce : 250269590438617	LOOF2021 8555	NORMAL (+/+)

La présence de la mutation A31P présente sur le gène MyBPC3 est recherchée.

Cette mutation est responsable de la Myocardiopathie hypertrophique (HCM) chez les chats de race Maine Coon.

Cette mutation se transmet de manière autosomique dominante ; Les individus ayant reçu un allèle muté pourront développer la maladie plus ou moins tard et avec une intensité différente. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.

NORMAL (+/+): animal homozygote normal, non porteur de la mutation

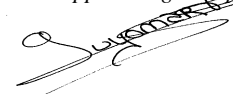
PORTEUR (+/-): animal hétérozygote porteur de la mutation

ATTEINT (-/-): animal homozygote atteint

Fait à Loudéac, le 20/12/2021

Anne-Sophie Guyomard

Chargée de développement génétique et génomique



Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.

La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : MAALLOUL Moncef	MAALLOUL Moncef
Elevage : 23554	137 rue OBERKAMPF
Demandeur : MAALLOUL Moncef	75011 PARIS
Organisation : PRO	
Préleveur : PASQUET Isabelle (17515)	
Date de prélèvement : 13/12/2021	Date de réception : 15/12/2021
Nombre de prélèvements : 1	Nature des prélèvements : Buccal (brossette)
Espèce : CHAT	Race : MCO - Maine Coon
Date de naissance : 21/12/2020	Sexe : Femelle
Remarques : LOOF2021 8555	

Spinal Muscular Atrophy (SMA)

Date d'exécution : 17/12/2021

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC50390 Nom : RADISSON OF MAINE S FAIRIES Puce : 250269590438617	LOOF2021 8555	NORMAL (+/+)

La présence de la mutation "140kb del (exons 4-6) "présente sur le gène LIX1 est recherchée.

Cette mutation est responsable de l'atrophie musculaire spinale (SMA) chez les chats de race Maine Coon.

Cette mutation se transmet de manière autosomique récessive ; Seuls les individus ayant reçu 2 allèles mutés (génotype -/-) sont considérés comme atteints par la maladie. Les individus ayant reçu un seul allèle muté (génotype +/-) sont considérés comme porteur de la maladie - ils ne développeront pas la maladie mais ont 50% de chance de transmettre héréditairement la mutation à leurs descendants. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.

NORMAL (+/+): animal homozygote normal, non porteur de la mutation

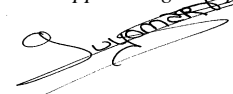
PORTEUR (+/-): animal hétérozygote porteur de la mutation

ATTEINT (-/-): animal homozygote atteint

Fait à Loudéac, le 20/12/2021

Anne-Sophie Guyomard

Chargée de développement génétique et génomique



Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.

La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : MAALLOUL Moncef
Elevage : 23554
Demandeur : MAALLOUL Moncef
Organisation : PRO
Préleveur : PASQUET Isabelle (17515)

MAALLOUL Moncef
137 rue OBERKAMPF
75011 PARIS

Date de prélèvement : 13/12/2021
Nombre de prélèvements : 1
Espèce : CHAT
Date de naissance : 21/12/2020

Date de réception : 15/12/2021
Nature des prélèvements : Buccal (brossette)
Race : MCO - Maine Coon
Sexe : Femelle

Remarques : LOOF2021 8555

GS ADN

Date d'exécution : 17/12/2021

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC50390 Nom : RADISSON OF MAINE S FAIRIES Puce : 250269590438617	LOOF2021 8555	nonb/nonb

GS ADN ou Groupe Sanguin par ADN

Résultat nonb/nonb: aucun allèle b détecté = groupe sanguin A ou AB. Résultat nonb/b: 1 allèle b détecté = groupe sanguin A ou AB. Résultat b/b: 2 allèles b détectés = groupe sanguin B.

Dans l'état actuel des connaissances, ce test est valable chez de nombreuses races de chats mais peut présenter des exceptions parmi les races suivantes : Angora turc, Ragdoll, Bengal, Chaussie, Savannah, Sibérien, Sphynx et European Shorthair.

*Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé
photographique intégral.*

Fait à Loudéac, le 20/12/2021

Anne-Sophie Guyomard
Chargée de développement génétique et génomique

