

## Certificat d'Analyse(s)

**Propriétaire :** MAALLOUL Moncef  
**Elevage :** 23554  
**Demandeur :** MAALLOUL Moncef  
**Organisation :** PRO  
**Préleveur :** CANONNE Morgane (22407)

**Mr PARISSE Christophe**  
137 Rue OBERKAMPF  
hall 4  
75011 PARIS

**Date de prélèvement :** 27/11/2021

**Date de réception :** 30/11/2021

**Nombre de prélèvements :** 1

**Nature des prélèvements :** Buccal (brossette)

**Espèce :** CHAT

**Race :** MCO - Maine Coon

**Date de naissance :** 21/12/2020

**Sexe :** Femelle

**Remarques :** LOOF2021 8554

## Identification génétique par ADN


**Date d'exécution :** 01/12/2021

Identification : RANEN OF MAINE S FAIRIES/250269590438843 - Code ADN : FC50391									
FCA026	FCA069	FCA075	FCA105	FCA149	FCA201	FCA220	FCA229	FCA293	FCA310
150/152	107/109	136/136	195/197	122/128	143/159	214/214	168/170	179/189	136/136
FCA441	FCA453	FCA649	FCA678	ZSRY					
155/159	188/188	126/141	190/202	X/X					

L'identification génétique est réalisée par PCR (méthode ANAACR05) à l'aide de 15 marqueurs microsatellites, indiqués dans le tableau de résultats ci-dessus, validés scientifiquement au niveau international par l'ISAG (International Society for Animal Genetics). Ce panel de marqueurs répond à la version ISAG 2006 v2.1. Pour chaque marqueur, l'animal possède deux allèles symbolisés par des nombres. Une identification génétique ne peut être considérée comme valide et ne peut être transmise que si le nombre de marqueurs microsatellites génotypés est égal à un minimum de 9 marqueurs dont 8 du core panel.

**Carte d'identité génétique / Genetic identity card**

PHOTO



**Genindexe**  
La Génétique à votre service

**Code ADN :** FC50391

**Nom :** RANEN OF MAINE S FAIRIES

**Identification :** 250269590438843

**Race :** MCO:Maine Coon

**Sexe :** Femelle

**Date de naissance :** 21/12/2020

FCA026	150/152	FCA069	107/109	FCA075	136/136	FCA105	195/197
FCA149	122/128	FCA201	143/159	FCA220	214/214	FCA229	168/170
FCA293	179/189	FCA310	136/136	FCA441	155/159	FCA453	188/188
FCA649	126/141	FCA678	190/202	ZSRY	X/X		

Certificat d'analyse d'identification génétique- ANAACR 01 EN 02-  
date:17/04/2013 - I.R.:01

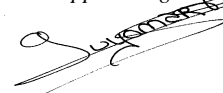
Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.

La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

**Fait à Loudéac, le 09/12/2021**

Anne-Sophie Guyomard

Chargée de développement génétique et génomique



## Certificat d'Analyse(s)

**Propriétaire :** MAALLOUL Moncef  
**Elevage :** 23554  
**Demandeur :** MAALLOUL Moncef  
**Organisation :** PRO  
**Préleveur :** CANONNE Morgane (22407)

**Mr PARISSE Christophe**  
137 Rue OBERKAMPF  
hall 4  
75011 PARIS

**Date de prélèvement :** 27/11/2021

**Date de réception :** 30/11/2021

**Nombre de prélèvements :** 3

**Nature des prélèvements :** Buccal (brossette)

**Espèce :** CHAT

**Race :** MCO - Maine Coon

### Filiation - contrôle de parenté

**Date d'exécution :** 09/12/2021

#### Mère(s) présumée(s)

Compatibilité(s)

**FC35996** ZUZANNA PP TASSEL MAGIC  
643094100588736 - né(e) le 05/02/2020

...

#### Père(s) présumé(s)

Compatibilité(s)

**FC27943** PRINCE PHOENIX OF MAINE S FAIRIES  
250269100044905 - né(e) le 21/12/2019

...

#### Produit(s)

Compatibilité(s)

**FC50391** RANEN OF MAINE S FAIRIES  
250269590438843 - Femelle - né(e) le 21/12/2020  
LOOF2021 8554

**Compatible avec le(s) parent(s) FC35996,  
FC27943**

Règles d'interprétation (protocole de coopération LOOF-GENINDEXE/ méthode interne ANAACR 05):

- Une filiation ne peut être interprétée que lorsque le nombre de marqueurs microsatellites génotypés communs entre le descendant et ses parents est au minimum égal à 8 du core panel.
- Une filiation est incompatible lorsqu'au moins deux marqueurs ne respectent pas les lois de la transmission héréditaire. Première loi : un produit doit avoir reçu un allèle de chacun de ses deux parents. Deuxième loi : un parent doit avoir transmis l'un de ses deux allèles à son produit.

Certificat d'analyse de filiation-contrôle de parenté - ANAACR 01 EN 03 -  
date:17/04/2013 - I.R.:01

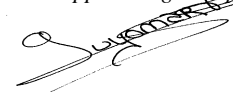
Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.

La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé  
photographique intégral.

**Fait à Loudéac, le 09/12/2021**

Anne-Sophie Guyomard

Chargée de développement génétique et génomique



## Certificat d'Analyse(s)

**Propriétaire :** MAALLOUL Moncef  
**Elevage :** 23554  
**Demandeur :** MAALLOUL Moncef  
**Organisation :** PRO  
**Préleveur :** CANONNE Morgane (22407)

**Mr PARISSE Christophe**  
137 Rue OBERKAMPF  
hall 4  
75011 PARIS

**Date de prélèvement :** 27/11/2021

**Date de réception :** 30/11/2021

**Nombre de prélèvements :** 1

**Nature des prélèvements :** Buccal (brossette)

**Espèce :** CHAT

**Race :** MCO - Maine Coon

**Date de naissance :** 21/12/2020

**Sexe :** Femelle

**Remarques :** LOOF2021 8554

### Pyruvate Kinase Deficiency (Pkdef)

**Date d'exécution :** 01/12/2021

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC50391 Nom : RANEN OF MAINE S FAIRIES Puce : 250269590438843	LOOF2021 8554	NORMAL (+/+)

La présence de la mutation *c.693+304G>A* présente sur le gène *PKLR* est recherchée.

Cette mutation est responsable du Déficit en pyruvate kinase (PKDef) chez les chats de races : Abyssin/Somali, Bengal, Mau Egyptien, LaPerm, Maine Coon, Norvégien, Savannah, Sibérien, Singapura, Ocicat, Domestic longhair et shorthair.

Cette mutation se transmet de manière autosomique récessive ; Seuls les individus ayant reçu 2 allèles mutés (génotype -/-) sont considérés comme atteints par la maladie. Les individus ayant reçu un seul allèle muté (génotype +/-) sont considérés comme porteur de la maladie - ils ne développeront pas la maladie mais ont 50% de chance de transmettre héréditairement la mutation à leurs descendants. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.

NORMAL (+/+): animal homozygote normal, non porteur de la mutation

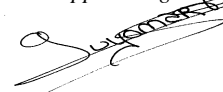
PORTEUR (+/-): animal hétérozygote porteur de la mutation

ATTEINT (-/-): animal homozygote atteint

**Fait à Loudéac, le 06/12/2021**

Anne-Sophie Guyomard

Chargée de développement génétique et génomique



Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.

La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

## Certificat d'Analyse(s)

**Propriétaire :** MAALLOUL Moncef  
**Elevage :** 23554  
**Demandeur :** MAALLOUL Moncef  
**Organisation :** PRO  
**Préleveur :** CANONNE Morgane (22407)

**Mr PARISSE Christophe**  
137 Rue OBERKAMPF  
hall 4  
75011 PARIS

**Date de prélèvement :** 27/11/2021

**Date de réception :** 30/11/2021

**Nombre de prélèvements :** 1

**Nature des prélèvements :** Buccal (brossette)

**Espèce :** CHAT

**Race :** MCO - Maine Coon

**Date de naissance :** 21/12/2020

**Sexe :** Femelle

**Remarques :** LOOF2021 8554

### Cardio-Myopathie Hypertrophique (HCM-MC)

**Date d'exécution :** 01/12/2021

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC50391 Nom : RANEN OF MAINE S FAIRIES Puce : 250269590438843	LOOF2021 8554	NORMAL (+/+)

*La présence de la mutation A31P présente sur le gène MyBPC3 est recherchée.*

*Cette mutation est responsable de la Myocardiopathie hypertrophique (HCM) chez les chats de race Maine Coon.*

*Cette mutation se transmet de manière autosomique dominante ; Les individus ayant reçu un allèle muté pourront développer la maladie plus ou moins tard et avec une intensité différente. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.*

*NORMAL (+/+): animal homozygote normal, non porteur de la mutation*

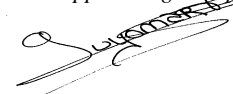
*PORTEUR (+/-): animal hétérozygote porteur de la mutation*

*ATTEINT (-/-): animal homozygote atteint*

**Fait à Loudéac, le 06/12/2021**

Anne-Sophie Guyomard

Chargée de développement génétique et génomique



*Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.*

*La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.*

## Certificat d'Analyse(s)

**Propriétaire :** MAALLOUL Moncef  
**Elevage :** 23554  
**Demandeur :** MAALLOUL Moncef  
**Organisation :** PRO  
**Préleveur :** CANONNE Morgane (22407)

**Mr PARISSE Christophe**  
137 Rue OBERKAMPF  
hall 4  
75011 PARIS

**Date de prélèvement :** 27/11/2021

**Date de réception :** 30/11/2021

**Nombre de prélèvements :** 1

**Nature des prélèvements :** Buccal (brossette)

**Espèce :** CHAT

**Race :** MCO - Maine Coon

**Date de naissance :** 21/12/2020

**Sexe :** Femelle

**Remarques :** LOOF2021 8554

### Spinal Muscular Atrophy (SMA)

**Date d'exécution :** 01/12/2021

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC50391 Nom : RANEN OF MAINE S FAIRIES Puce : 250269590438843	LOOF2021 8554	NORMAL (+/+)

*La présence de la mutation "140kb del (exons 4-6)" présente sur le gène LIX1 est recherchée.*

*Cette mutation est responsable de l'atrophie musculaire spinale (SMA) chez les chats de race Maine Coon.*

*Cette mutation se transmet de manière autosomique récessive ; Seuls les individus ayant reçu 2 allèles mutés (génotype -/-) sont considérés comme atteints par la maladie. Les individus ayant reçu un seul allèle muté (génotype +/-) sont considérés comme porteur de la maladie - ils ne développeront pas la maladie mais ont 50% de chance de transmettre héréditairement la mutation à leurs descendants. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.*

*NORMAL (+/+): animal homozygote normal, non porteur de la mutation*

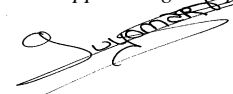
*PORTEUR (+/-): animal hétérozygote porteur de la mutation*

*ATTEINT (-/-): animal homozygote atteint*

**Fait à Loudéac, le 06/12/2021**

Anne-Sophie Guyomard

Chargée de développement génétique et génomique



*Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.*

*La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.*

## Certificat d'Analyse(s)

**Propriétaire :** MAALLOUL Moncef  
**Elevage :** 23554  
**Demandeur :** MAALLOUL Moncef  
**Organisation :** PRO  
**Préleveur :** CANONNE Morgane (22407)

**Mr PARISSE Christophe**  
137 Rue OBERKAMPF  
hall 4  
75011 PARIS

**Date de prélèvement :** 27/11/2021

**Date de réception :** 30/11/2021

**Nombre de prélèvements :** 1

**Nature des prélèvements :** Buccal (brossette)

**Espèce :** CHAT

**Race :** MCO - Maine Coon

**Date de naissance :** 21/12/2020

**Sexe :** Femelle

**Remarques :** LOOF2021 8554

### GS ADN

**Date d'exécution :** 01/12/2021

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC50391 Nom : RANEN OF MAINE S FAIRIES Puce : 250269590438843	LOOF2021 8554	nonb/nonb

*GS ADN ou Groupe Sanguin par ADN*

*Résultat nonb/nonb: aucun allèle b détecté = groupe sanguin A ou AB. Résultat nonb/b: 1 allèle b détecté = groupe sanguin A ou AB. Résultat b/b: 2 allèles b détectés = groupe sanguin B.*

*Dans l'état actuel des connaissances, ce test est valable chez de nombreuses races de chats mais peut présenter des exceptions parmi les races suivantes : Angora turc, Ragdoll, Bengal, Chaussie, Savannah, Sibérien, Sphynx et European Shorthair.*

*Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.  
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.*

**Fait à Loudéac, le 06/12/2021**

Anne-Sophie Guyomard  
Chargée de développement génétique et génomique

