

Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : MAALLOUL Moncef
Elevage : 23554
Demandeur : MAALLOUL Moncef
Organisation : PRO
Préleveur : PASQUET Isabelle (17515)
Référence : EXT20234198

MAALLOUL Moncef
137 rue OBERKAMPF
75011 PARIS

Date de prélèvement : 30/09/2023

Date de réception : 04/10/2023

Nombre de prélèvements : 1

Nature des prélèvements : Buccal (brossette)

Espèce : CHAT

Race : MCO - Maine Coon

Date de naissance : 16/02/2023

Sexe : Mâle

Identification génétique par ADN


Date d'exécution : 09/10/2023

Identification : KAISER NORDIRBISCAT/900217000139345 - Code ADN : FC70043									
FCA026	FCA069	FCA075	FCA105	FCA149	FCA201	FCA220	FCA229	FCA293	FCA310
150/152	107/107	136/136	195/199	122/128	143/151	214/214	168/170	179/189	136/136
FCA441	FCA453	FCA649	FCA678	ZSRY					
159/163	188/188	126/126	190/192	X/Y					

L'identification génétique est réalisée par PCR (méthode ANAACR05) à l'aide de 15 marqueurs microsatellites, indiqués dans le tableau de résultats ci-dessus, validés scientifiquement au niveau international par l'ISAG (International Society for Animal Genetics). Ce panel de marqueurs répond à la version ISAG 2006 v2.1. Pour chaque marqueur, l'animal possède deux allèles symbolisés par des nombres. Une identification génétique ne peut être considérée comme valide et ne peut être transmise que si le nombre de marqueurs microsatellites génotypés est égal à un minimum de 9 marqueurs dont 8 du core panel.

Carte d'identité génétique / Genetic identity card

PHOTO



Genindexe
La Génétique à votre service

Code ADN : FC70043

Nom : KAISER NORDIRBISCAT

Identification : 900217000139345

Race : MCO:Maine Coon

Sexe : Mâle

Date de naissance : 16/02/2023

FCA026	150/152	FCA069	107/107	FCA075	136/136	FCA105	195/199
FCA149	122/128	FCA201	143/151	FCA220	214/214	FCA229	168/170
FCA293	179/189	FCA310	136/136	FCA441	159/163	FCA453	188/188
FCA649	126/126	FCA678	190/192	ZSRY	X/Y		

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

Fait à Loudéac, le 10/10/2023

Olivier Yvernoiseau
Technicien service Biologie Moléculaire



Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : MAALLOUL Moncef
Elevage : 23554
Demandeur : MAALLOUL Moncef
Organisation : PRO
Préleveur : PASQUET Isabelle (17515)
Référence : EXT20234198

MAALLOUL Moncef
137 rue OBERKAMPF
75011 PARIS

Date de prélèvement : 30/09/2023

Date de réception : 04/10/2023

Nombre de prélèvements : 1

Nature des prélèvements : Buccal (brossette)

Espèce : CHAT

Race : MCO - Maine Coon

Date de naissance : 16/02/2023

Sexe : Mâle

Pyruvate Kinase Deficiency (Pkdef)

Date d'exécution : 06/10/2023

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC70043 Nom : KAISER NORDIRBISCAT Puce : 900217000139345		NORMAL (+/+)

La présence de la mutation *c.693+304G>A* présente sur le gène *PKLR* est recherchée.

Cette mutation est responsable du Déficit en pyruvate kinase (PKDef) chez les chats de races : Abyssin/Somali, Bengal, Mau Egyptien, LaPerm, Maine Coon, Norvégien, Savannah, Sibérien, Singapura, Ocicat, Domestic longhair et shorthair.

Cette mutation se transmet de manière autosomique récessive ; Seuls les individus ayant reçu 2 allèles mutés (génotype -/-) sont considérés comme atteints par la maladie. Les individus ayant reçu un seul allèle muté (génotype +/-) sont considérés comme porteur de la maladie - ils ne développeront pas la maladie mais ont 50% de chance de transmettre héréditairement la mutation à leurs descendants. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.

Les tests génétiques mis en oeuvre conformément aux données acquises de la science identifient uniquement la mutation connue, d'autres anomalies génétiques impliquées dans l'expression de la maladie n'étant pas exclues.

NORMAL (+/+): animal homozygote normal, non porteur de la mutation

PORTEUR (+/-): animal hétérozygote porteur de la mutation

ATTEINT (-/-): animal homozygote atteint

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

Fait à Loudéac, le 09/10/2023

Olivier Yverneau
Technicien service Biologie Moléculaire



Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : MAALLOUL Moncef
Elevage : 23554
Demandeur : MAALLOUL Moncef
Organisation : PRO
Préleveur : PASQUET Isabelle (17515)
Référence : EXT20234198

MAALLOUL Moncef
137 rue OBERKAMPF
75011 PARIS

Date de prélèvement : 30/09/2023
Nombre de prélèvements : 1
Espèce : CHAT
Date de naissance : 16/02/2023

Date de réception : 04/10/2023
Nature des prélèvements : Buccal (brossette)
Race : MCO - Maine Coon
Sexe : Mâle

Cardio-Myopathie Hypertrophique (HCM-MC)

Date d'exécution : 06/10/2023

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC70043 Nom : KAISER NORDIRBISCAT Puce : 900217000139345		NORMAL (+/+)

La présence de la mutation A31P présente sur le gène MyBPC3 est recherchée.

Cette mutation est responsable de la Myocardiopathie hypertrophique (HCM) chez les chats de race Maine Coon.

Cette mutation se transmet de manière autosomique dominante ; Les individus ayant reçu un allèle muté pourront développer la maladie plus ou moins tard et avec une intensité différente. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.

Les tests génétiques mis en oeuvre conformément aux données acquises de la science identifient uniquement la mutation connue, d'autres anomalies génétiques impliquées dans l'expression de la maladie n'étant pas exclues.

NORMAL (+/+): animal homozygote normal, non porteur de la mutation

PORTEUR (+/-): animal hétérozygote porteur de la mutation

ATTEINT (-/-): animal homozygote atteint

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

Fait à Loudéac, le 09/10/2023

Olivier Yvernoiseau
Technicien service Biologie Moléculaire



Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : MAALLOUL Moncef
Elevage : 23554
Demandeur : MAALLOUL Moncef
Organisation : PRO
Préleveur : PASQUET Isabelle (17515)
Référence : EXT20234198

MAALLOUL Moncef
137 rue OBERKAMPF
75011 PARIS

Date de prélèvement : 30/09/2023
Nombre de prélèvements : 1
Espèce : CHAT
Date de naissance : 16/02/2023

Date de réception : 04/10/2023
Nature des prélèvements : Buccal (brossette)
Race : MCO - Maine Coon
Sexe : Mâle

Spinal Muscular Atrophy (SMA)

Date d'exécution : 06/10/2023

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC70043 Nom : KAISER NORDIRBISCAT Puce : 900217000139345		NORMAL (+/+)

La présence de la mutation 140kb del (exons 4-6) présente sur le gène LIX1 est recherchée.

Cette mutation est responsable de l'atrophie musculaire spinale (SMA) chez les chats de race Maine Coon.

Cette mutation se transmet de manière autosomique récessive ; Seuls les individus ayant reçu 2 allèles mutés (génotype -/-) sont considérés comme atteints par la maladie. Les individus ayant reçu un seul allèle muté (génotype +/-) sont considérés comme porteur de la maladie - ils ne développeront pas la maladie mais ont 50% de chance de transmettre héréditairement la mutation à leurs descendants. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.

Les tests génétiques mis en oeuvre conformément aux données acquises de la science identifient uniquement la mutation connue, d'autres anomalies génétiques impliquées dans l'expression de la maladie n'étant pas exclues.

NORMAL (+/+): animal homozygote normal, non porteur de la mutation

PORTEUR (+/-): animal hétérozygote porteur de la mutation

ATTEINT (-/-): animal homozygote atteint

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

Fait à Loudéac, le 09/10/2023

Olivier Yvernoiseau
Technicien service Biologie Moléculaire



Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : MAALLOUL Moncef
Elevage : 23554
Demandeur : MAALLOUL Moncef
Organisation : PRO
Préleveur : PASQUET Isabelle (17515)
Référence : EXT20234198

MAALLOUL Moncef
137 rue OBERKAMPF
75011 PARIS

Date de prélèvement : 30/09/2023
Nombre de prélèvements : 1
Espèce : CHAT
Date de naissance : 16/02/2023

Date de réception : 04/10/2023
Nature des prélèvements : Buccal (brossette)
Race : MCO - Maine Coon
Sexe : Mâle

GS ADN

Date d'exécution : 06/10/2023

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC70043 Nom : KAISER NORDIRBISCAT Puce : 900217000139345		nonb/nonb

GS ADN ou Groupe Sanguin par ADN. Mutation recherchée : Délétion -18 pb / Del 53 (5'UTR) d'après Gandolfi et al. Plos One 2016
Résultat nonb/nonb : aucun allèle b détecté = groupe sanguin A ou AB. Résultat nonb/b : 1 allèle b détecté = groupe sanguin A ou AB. Résultat b/b : 2 allèles b détectés = groupe sanguin B.

Dans l'état actuel des connaissances, ce test est valable chez de nombreuses races de chats mais peut présenter des exceptions parmi les races suivantes : Angora turc, Ragdoll, Bengal, Chaussie, Savannah, Sibérien, Sphynx et European Shorthair.

Le test réalisé ne concerne que la mutation recherchée. D'autres mutations du CMAH existent. Le résultat obtenu par ce test ne présage pas des autres résultats pouvant être obtenus sur les autres mutations.

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

Fait à Loudéac, le 09/10/2023

Olivier Yvernogeu
Technicien service Biologie Moléculaire



Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : MAALLOUL Moncef
Elevage : 23554
Demandeur : MAALLOUL Moncef
Organisation : PRO
Préleveur : PASQUET Isabelle (17515)
Référence : EXT20234198

MAALLOUL Moncef
137 rue OBERKAMPF
75011 PARIS

Date de prélèvement : 30/09/2023
Nombre de prélèvements : 1
Espèce : CHAT
Date de naissance : 16/02/2023

Date de réception : 04/10/2023
Nature des prélèvements : Buccal (brossette)
Race : MCO - Maine Coon
Sexe : Mâle

Colortest - Locus A - Agouti

Date d'exécution : 06/10/2023

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC70043 Nom : KAISER NORDIRBISCAT Puce : 900217000139345		A/a:Hétérozygote porteur Agouti - Robe Agouti

Ce test est basé sur l'étude du variant c.123delCA présent sur le gène ASIP (agouti signaling protein) influençant la pigmentation de la robe des chats. Le locus A peut présenter 2 allèles différents avec la dominance hiérarchique suivante : allèle A > allèle a (variant c.123delCT). La transmission de cette mutation se produit de manière autosomique récessive.

Légendes:

A/A : Chat Agouti, porteur de 2 allèles agouti . L'animal aura 100% de chance de transmettre l'allèle A à sa descendance // A/a : Chat Agouti, mais porteur d'un allèle non-agouti . L'animal aura 50% de chance de transmettre l'un ou l'autre des allèles à sa descendance // a/a : Chat non-agouti (poils unis), porteur de 2 allèles non-agouti . L'animal aura 100% de chance de transmettre l'allèle non-agouti à sa descendance. Les tests génétiques mis en oeuvre conformément aux données acquises de la science identifient uniquement la mutation connue, d'autres anomalies génétiques impliquées dans l'expression de la maladie n'étant pas exclues.

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

Fait à Loudéac, le 09/10/2023

Olivier Yverneau
Technicien service Biologie Moléculaire



Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : MAALLOUL Moncef
Elevage : 23554
Demandeur : MAALLOUL Moncef
Organisation : PRO
Préleveur : PASQUET Isabelle (17515)
Référence : EXT20234198

MAALLOUL Moncef
137 rue OBERKAMPF
75011 PARIS

Date de prélèvement : 30/09/2023
Nombre de prélèvements : 1
Espèce : CHAT
Date de naissance : 16/02/2023

Date de réception : 04/10/2023
Nature des prélèvements : Buccal (brossette)
Race : MCO - Maine Coon
Sexe : Mâle

Colortest - Locus D - Dilution

Date d'exécution : 06/10/2023

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC70043 Nom : KAISER NORDIRBISCAT Puce : 900217000139345		d/d : Robe diluée

Ce test est basé sur l'étude du variant c.83delT présent sur le gène *MLPH* (mélanophiline) influençant la couleur de la robe des chats. Le locus D peut présenter 2 allèles différents avec la dominance hiérarchique suivante : allèle D > allèle d (variant c.83delT). La transmission de cette mutation se produit de manière autosomique récessive.

Légende :

D/D : Chat non dilué, et non porteur de dilution // D/d : Chat non dilué, mais porteur d'un allèle dilution . L'animal aura 50% de chance de transmettre héréditairement la mutation à ses descendants // d/d : Chat dilué, porteur de 2 allèles dilution . L'animal aura 100% de chance de transmettre héréditairement la mutation à ses descendants.

Les tests génétiques mis en oeuvre conformément aux données acquises de la science identifient uniquement la mutation connue, d'autres anomalies génétiques impliquées dans l'expression de la maladie n'étant pas exclues.

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

Fait à Loudéac, le 09/10/2023

Olivier Yvernogeu
Technicien service Biologie Moléculaire

