



CERTIFICAT GÉNÉTIQUE

M. Christophe PARISSÉ

110 rue du Landy
93400 Saint Ouen
FRANCE

Nom : **Linette de Maycoonfolie's**

Race : **Maine Coon**

N° Identification : **250 268 500 979 684**

N° Pedigree :

Sexe : **Femelle**

Date de naissance : **14/11/2015**

Propriétaire :

PARISSÉ Christophe

93400 Saint Ouen (FR)

N° Client : C21119

N° de prélèvement : **485 234** (Authentifié)

Type de prélèvement : Frottis buccal

Date du prélèvement : 13/02/2016

Date de demande : 22/02/2016

Vétérinaire préleveur :

PASQUET Isabelle

75011 Paris (FR)

N° officiel du préleveur : **17515**

N° de dossier : 114 596

N° animal : 134 833

Code résultat : 209486

Identification génétique & groupe sanguin

FCA026	FCA069	FCA075	FCA105	FCA149	FCA201	FCA220	FCA229
QS	MN	SS	RR	KK	OQ	JK	NP
148/152	107/109	136/136	203/203	130/130	151/155	212/214	164/168
FCA293	FCA310	FCA441	FCA453	FCA649	FCA678	ZFX Y	ZGpSg
FF	RR	OP	KK	GI	LP	XX	NN
179/179	136/136	163/167	188/188	126/130	190/198	X/X	233/233

Lina Muselet
Ingénieur en génétique

Résultat établi le 25/02/2016

Certificat édité le 25/02/2016

Explication

L'empreinte génétique est constituée d'un panel de 15 marqueurs microsatellites reconnus au niveau international et répondant à la norme ISAGF 2014. À chaque locus microsatellite, le chat possède deux allèles symbolisés par une lettre (de A à Z). La présence éventuelle du symbole (-) indique que ce marqueur n'est pas amplifiable ou analysable chez ce chat. La probabilité d'obtenir des empreintes génétiques différentes pour des individus pris au hasard dans la population est supérieure à 99,9%. Le test Groupe Sanguin repose sur la détection de l'allèle b du gène CMAH. Les 3 génotypes possible sont : (N/N) = sérotype A ou AB, non porteur b - (N/b) = sérotype A ou AB, porteur b - (b/b) = sérotype B, porteur b.

Le laboratoire ANTAGENE met en oeuvre tous les moyens en termes de fiabilité (sensibilité, spécificité), qualité et traçabilité pour garantir le résultat à 99%. Pour le Groupe Sanguin, l'état actuel des connaissances indique que le test génétique ne serait pas concordant avec le test sérologique dans environ 3% des cas.



CERTIFICAT DE PARENTÉ

M. Christophe PARISSE

110 rue du Landy
93400 Saint Ouen
FRANCE

Nom : **Linette de Maycoonfolie's**

Race : **Maine Coon**

N° Identification : **250 268 500 979 684**

Sexe : **Femelle**

Date de naissance : **14/11/2015**

N° de prélèvement : **485 234** (Authentifié)

Vétérinaire préleveur : **PASQUET Isabelle**

75011 Paris (FR)

N° officiel du préleveur : **17515**

N° de dossier : 114 596

Date de demande : 22/02/2016

Code résultat : 209487

Vérification de Parenté

La vérification de parenté a été réalisée entre le descendant **Linette de Maycoonfolie's** et les reproducteurs suivants :

FEMELLE	Nom : Hanky Panky De Maycoonfolie's Race : Maine Coon N° Identification : 250 268 730 137 775 Date de naissance : 12/09/2012 N° de prélèvement : 406 926	MÂLE	Nom : Orion Mageli Race : Maine Coon N° Identification : 967 000 009 646 034 Date de naissance : 26/05/2014 N° de prélèvement : 406 921
----------------	----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------	-------------	-----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------

Résultat : Compatible avec la femelle et le mâle

La vérification de parenté a été réalisée à partir des empreintes génétiques suivantes :

	Origine Empreinte	FCA026	FCA069	FCA075	FCA105	FCA149	FCA201	FCA220	FCA229	FCA293	FCA310	FCA441	FCA453	FCA649	FCA678	ZFX
Femelle	ANTAGENE	QS	MM	SS	LR	KK	KO	JK	NQ	FF	JR	NP	KM	--	LL	XX
Mâle	ANTAGENE	QS	MN	SS	RR	HK	QQ	KK	PP	FF	RR	NO	KK	IM	LP	XY
Descendant	ANTAGENE	QS	MN	SS	RR	KK	OQ	JK	NP	FF	RR	OP	KK	GI	LP	XX

Lina Muselet
Ingénieur en génétique

Résultat établi le 25/02/2016

Certificat édité le 25/02/2016

Explication

La vérification de parenté consiste à vérifier la compatibilité génétique entre les empreintes génétiques (au format ISAGF 2014) du descendant et des reproducteurs. A chaque marqueur génétique, l'animal possède deux allèles symbolisés par une lettre (de A à Z): un allèle est transmis par la mère, l'autre allèle est transmis par le père. La parenté est exclue si l'incompatibilité entre les reproducteurs et le descendant concerne plus de deux marqueurs génétiques. En cas d'incompatibilité d'un parent identifié génétiquement par un autre laboratoire, le résultat est fourni sous réserve de la fiabilité de l'empreinte génétique établie par cet autre laboratoire.

CERTIFICAT D'IDENTITE GÉNÉTIQUE

Mr Christophe PARISSE
110 rue du Landy

93400 Saint Ouen
France

Nom : **Hanky Panky De Maycoonfolie's**

Race : **Maine Coon**

N° d'identification : **250 268 730 137 775**

N° de pedigree : **LOOF 2012.26408**

Sexe : **Femelle**

Date de naissance : **12/09/12**

Préleveur : **Vétérinaire**

Dr Isabelle PASQUET

(Paris, 75008, France)

N° officiel du préleveur : **17515**

Date de prélèvement : **20/07/13**

Type de prélèvement : **Frottis buccal**

N° de prélèvement : **406926**

Date de réception : **24/07/13**

Dossier : **81707 / 42372 / 201306348 - 24/07/13**

Référence : **21119 / 15879 / 92830**

Test : **128295 / 87693**

Code résultat : **100540**

Empreinte génétique

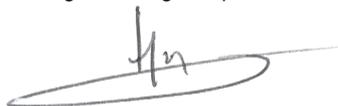
FCA 026 FCA 069 FCA 075 FCA 105 FCA 149 FCA 201 FCA 220 FCA 229 FCA 293 FCA 310 FCA 441 FCA 453 FCA 678 ZFX Y
QS MM SS LR KK KO JK NQ FF JR NP KM LL XX

ISAGF 2010 / FCA026:148152 / FCA069:107107 / FCA075:136136 / FCA105:191203 / FCA149:130130 / FCA201:143151 / FCA220:212214 / FCA229:164170 / FCA293:179179 / FCA310:120136 / FCA441:159167 / FCA453:188196 / FCA678:190190 / ZFX Y:XX

Groupe sanguin : **NN (sérotypage A ou AB, non porteur b)**

Résultat établi le : **30/07/13**

Lina MUSELET
Ingénieur en génétique



Explications :

L'empreinte génétique est constituée de la combinaison allélique de 14 marqueurs microsatellites polymorphes. Ces marqueurs microsatellites ont été validés scientifiquement au niveau international par l'ISAG (International Society for Animal Genetics). Ce panel de marqueurs répond à la norme ISAGF 2010. À chaque locus microsatellite, le chat possède deux allèles symbolisés par une lettre (de A à Z). La présence éventuelle du symbole (-) indique que ce marqueur n'est pas amplifiable ou analysable chez ce chat (ce phénomène se produit parfois dans certaines races ou pour certains chats; les autres marqueurs fournissent néanmoins suffisamment d'informations pour identifier le chat). La probabilité d'obtenir des empreintes génétiques différentes pour des individus pris au hasard dans la population est supérieure à 99,9% (à l'exception des vrais jumeaux pour lesquels les empreintes génétiques sont identiques). La comparaison de deux empreintes génétiques établies indépendamment permet de vérifier l'identité génétique d'un chat. La comparaison des empreintes génétiques entre des reproducteurs et des chatons permet de vérifier les parentés. La probabilité de caractériser correctement les deux allèles au niveau de chacun des 14 marqueurs microsatellites est supérieure à 99%.

Informations concernant le test Groupe Sanguin dans le cas d'une Identification Génétique-Groupe Sanguin:

Le test Groupe Sanguin repose sur la détection de l'allèle b du gène CMAH identifié par l'équipe du Dr Leslie Lyons (UC Davis, USA). Le laboratoire ANTAGENE met en oeuvre tous les moyens en termes de fiabilité (sensibilité, spécificité), qualité et traçabilité pour garantir le résultat. Cependant, l'état actuel des connaissances indique que le test génétique ne serait pas concordant avec le test sérologique dans environ 3% des cas.

CERTIFICAT ADN DE PARENTÉ

Mr Christophe PARISSE
110 rue du Landy

93400 Saint Ouen
France

La vérification de parenté a été réalisée entre les reproducteurs et le descendant référencés ci-dessous.

MALE

Nom : **Prairiebaby Bring On The Rain PP**
Race : Maine Coon
N° d'identification : **952 000 000 556 303**
Sexe : Mâle
Date de naissance : 22/10/09
N° ANTAGENE : 260050

FEMELLE

Nom : **Geisha Panda Girl De Maycoonfolies's**
Race : Maine Coon
N° d'identification : **250 268 500 487 064**
Sexe : Femelle
Date de naissance : 28/01/11
N° ANTAGENE : 419279

DESCENDANT

Nom : **Hanky Panky De Maycoonfolies's**
Race : Maine Coon
N° d'identification : **250 268 730 137 775**
Sexe : Femelle
Date de naissance : 12/09/12
N° ANTAGENE : 406926
Code résultat : 100565

Résultat : le descendant est Compatible avec la femelle et le mâle

La vérification de parenté a été réalisée à partir des empreintes référencées dans le tableau ci-dessous :

	FCA026	FCA069	FCA075	FCA105	FCA149	FCA201	FCA220	FCA229	FCA293	FCA310	FCA441	FCA453	FCA678	ZFX
260050	QS	MM	SS	LR	JK	OQ	HJ	NP	FF	JM	NP	KM	LP	XY
419279														
406926	QS	MM	SS	LR	KK	KO	JK	NQ	FF	JR	NP	KM	LL	XX

Résultat établi le : 30/07/13

Lina MUSELET
Ingénieur en génétique



Explications :

La compatibilité des empreintes génétiques de la mère et du père est indispensable pour attester de la parenté. L'empreinte génétique d'un animal correspond à la combinaison allélique de marqueurs génétiques appartenant au panel ISAG . A chaque marqueur génétique, l'animal possède deux allèles symbolisés par une lettre (de A à Z): un allèle est transmis par la mère, l'autre allèle est transmis par le père. La parenté est vérifiée si la totalité des marqueurs génétiques du descendant est compatible avec celle des parents: pour chaque marqueur, un allèle du descendant doit être présent chez la mère, l'autre allèle doit être présent chez le père. La parenté est exclue si l'incompatibilité entre les parents et le descendant concerne plus de deux marqueurs génétiques. L'incompatibilité d'un à deux marqueurs peut être due à un événement rare de mutation et ne permet pas d'exclure la parenté. Les empreintes réalisées par un autre laboratoire n'apparaissent dans le tableau ci-dessus.

Mr Christophe PARISSE
110 rue du landy

93400 Saint Ouen
France

Nom : **Prairiebaby Bring On The Rain PP**

Race : **Maine Coon**

N° d'identification : **952 000 000 556 303**

N° de pedigree : **MC 419M1-119686**

Sexe : **Mâle**

Date de naissance : **22/10/09**

Préleveur : **Vétérinaire**
Dr Fernando MIR PRIETO
(Maison Alfort cedex, 94704, France)
N° officiel du préleveur :

Date de prélèvement : 10/04/12
Type de prélèvement : Frottis buccal
N° de prélèvement : **260050**

Date de réception : 12/04/12
Dossier : 67473 / 29168 / 201202532 - 12/04/12
Référence : 21119 / 29784 / 72358
Test : 97774/ 67260
Code résultat : 73276

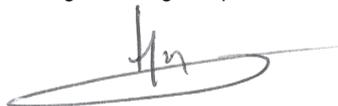
Empreinte génétique

FCA 026 FCA 069 FCA 075 FCA 105 FCA 149 FCA 201 FCA 220 FCA 229 FCA 293 FCA 310 FCA 441 FCA 453 FCA 678 ZFX Y
QS MM SS LR JK OQ HJ NP FF JM NP KM LP XY

ISAGF 2010 / FCA026:148152 / FCA069:107107 / FCA075:136136 / FCA105:191203 / FCA149:128130 / FCA201:151155 / FCA220:208212 / FCA229:164168 / FCA293:179179 / FCA310:120126 / FCA441:159167 / FCA453:188196 / FCA678:190198 / ZFX Y:XY

Résultat établi le : 20/04/12

Lina MUSELET
Ingénieur en génétique



Explications :

L'empreinte génétique est constituée de la combinaison allélique de 14 marqueurs microsatellites polymorphes. Ces marqueurs microsatellites ont été validés scientifiquement au niveau international par l'ISAG (International Society for Animal Genetics). Ce panel de marqueurs répond à la norme ISAGF 2010. À chaque locus microsatellite, le chat possède deux allèles symbolisés par une lettre (de A à Z). La présence éventuelle du symbole (-) indique que ce marqueur n'est pas amplifiable ou analysable chez ce chat (ce phénomène se produit parfois dans certaines races ou pour certains chats; les autres marqueurs fournissent néanmoins suffisamment d'informations pour identifier le chat). La probabilité d'obtenir des empreintes génétiques différentes pour des individus pris au hasard dans la population est supérieure à 99,9% (à l'exception des vrais jumeaux pour lesquels les empreintes génétiques sont identiques). La comparaison de deux empreintes génétiques établies indépendamment permet de vérifier l'identité génétique d'un chat. La comparaison des empreintes génétiques entre des reproducteurs et des chatons permet de vérifier les parentés. La probabilité de caractériser correctement les deux allèles au niveau de chacun des 14 marqueurs microsatellites est supérieure à 99%.

Informations concernant le test Groupe Sanguin dans le cas d'une Identification Génétique-Groupe Sanguin:

Le test Groupe Sanguin repose sur la détection de l'allèle b du gène CMAH identifié par l'équipe du Dr Leslie Lyons (UC Davis, USA). Le laboratoire ANTAGÈNE met en oeuvre tous les moyens en termes de fiabilité (sensibilité, spécificité), qualité et traçabilité pour garantir le résultat. Cependant, l'état actuel des connaissances indique que le test génétique ne serait pas concordant avec le test sérologique dans environ 3% des cas.

CERTIFICAT GÉNÉTIQUE

Mr Christophe PARISSE
110 rue du landy

93400 Saint Ouen
France

Nom : **Prairiebaby Bring On The Rain PP**

Race : **Maine Coon**

N° d'identification : **952 000 000 556 303**
N° de pedigree : **MC 419M1-119686**

Sexe : **Mâle**
Date de naissance : **22/10/09**

Préleveur : **Vétérinaire
Dr Fernando MIR PRIETO**
(Maison Alfort cedex, 94704, France)
N° officiel du préleveur :

Date de prélèvement : 10/04/12
Type de prélèvement : Frottis buccal
N° de prélèvement : **260050**

Date de réception : 12/04/12
Dossier : 67473 / 29168 / 201202532 - 12/04/12
Référence : 21119 / 29784 / 72358
Test : 97776/67260
Code résultat : 73162

Cardiomyopathie hypertrophique

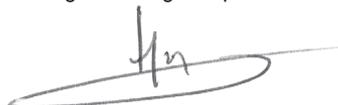
Résultat : **Homozygote normal**

Maladie testée : **Cardiomyopathie hypertrophique**

Interprétation : L'animal possède deux copies normales du gène MYPBC3. L'animal ne développera pas la forme HCM1 de cardiomyopathie hypertrophique. L'animal ne transmettra pas la mutation à sa descendance.

Résultat établi le : 20/04/12

Lina MUSELET
Ingénieur en génétique



Explications :

Le test HCM-A repose sur la détection d'une mutation (dénommée mutation A) dans le gène MYBPC3 (A31P, Meurs et al. 2005). La cardiomyopathie hypertrophique de type 1 chez le Maine Coon est associée à cette mutation A du gène MYBPC3. Les chats hétérozygotes et homozygotes mutés transmettent l'anomalie génétique à leur descendance et présentent un risque de développer la cardiomyopathie hypertrophique de type 1. Les formes acquises de cardiomyopathie, ainsi que d'autres formes génétiques de cardiomyopathies susceptibles d'exister chez le Maine Coon ne peuvent pas être détectées par ce test.

Le laboratoire ANTAGENE met en oeuvre tous les moyens en termes de fiabilité (sensibilité, spécificité), qualité et traçabilité pour garantir le résultat à 99%.

CERTIFICAT GÉNÉTIQUE

Mr **Christophe PARISSE**
110 rue du landy

93400 Saint Ouen
France

Nom : **Prairiebaby Bring On The Rain PP**

Race : **Maine Coon**

N° d'identification : **952 000 000 556 303**
N° de pedigree : **MC 419M1-119686**

Sexe : **Mâle**
Date de naissance : **22/10/09**

Préleveur : **Vétérinaire
Dr Fernando MIR PRIETO**
(Maison Alfort cedex, 94704, France)
N° officiel du préleveur :

Date de prélèvement : 10/04/12
Type de prélèvement : Frottis buccal
N° de prélèvement : **260050**

Date de réception : 12/04/12
Dossier : 67473 / 29168 / 201202532 - 12/04/12
Référence : 21119 / 29784 / 72358
Test : 97775/67260
Code résultat : 73249

Polykystose rénale

Résultat : **Homozygote normal**

Maladie testée : **Polykystose rénale**

Interprétation : L'animal possède deux copies normales du gène PKD1. L'animal ne développera pas une polykystose rénale. L'animal ne transmettra pas la mutation à sa descendance.

Résultat établi le : 20/04/12

Lina MUSELET
Ingénieur en génétique



Explications :

Ce test est spécifique de la polykystose rénale chez le chat. Le test repose sur la détection de la forme normale du gène PKD1 et de la seule forme défectueuse connue à ce jour. Le test n'est pas utilisable pour détecter d'autres formes héréditaires de polykystose rénale, d'autres formes héréditaires de maladie rénale ou d'autres affections rénales acquises durant la vie de l'animal.

Le laboratoire ANTAGENE met en oeuvre tous les moyens en termes de fiabilité (sensibilité, spécificité), qualité et traçabilité pour garantir le résultat à 99%.

CERTIFICAT GÉNÉTIQUE

Mr Christophe PARISSE
110 rue du landy

93400 Saint Ouen
France

Nom : **Prairiebaby Bring On The Rain PP**

Race : **Maine Coon**

N° d'identification : **952 000 000 556 303**
N° de pedigree : **MC 419M1-119686**

Sexe : **Mâle**
Date de naissance : **22/10/09**

Préleveur : **Vétérinaire
Dr Fernando MIR PRIETO**
(Maison Alfort cedex, 94704, France)
N° officiel du préleveur :

Date de prélèvement : 10/04/12
Type de prélèvement : Frottis buccal
N° de prélèvement : **260050**

Date de réception : 12/04/12
Dossier : 67473 / 29168 / 201202532 - 12/04/12
Référence : 21119 / 29784 / 72358
Test : 97777/67260
Code résultat : 73659

Amyotrophie spinale

Résultat : **Homozygote normal**

Maladie testée : **Amyotrophie spinale**

Interprétation : L'animal possède deux copies normales du gène LIX1. L'animal ne développera pas une amyotrophie spinale. L'animal ne transmettra pas la mutation à sa descendance.

Résultat établi le : 24/04/12

Lina MUSELET
Ingénieur en génétique



Explications :

Ce test est spécifique de l'amyotrophie spinale du Maine Coon (spinal muscular atrophy, SMA) qui est une maladie autosomale récessive. Ce test repose sur la détection de la forme normale du gène LIX1 et de la seule forme défectueuse connue à ce jour (Fyfe et al. 2006). Le test n'est pas utilisable pour détecter d'autres formes héréditaires d'atrophies musculaires, d'autres neuropathies héréditaires ou d'autres affections neuromusculaires acquises durant la vie de l'animal.

Le laboratoire ANTAGENE met en oeuvre tous les moyens en termes de fiabilité (sensibilité, spécificité), qualité et traçabilité pour garantir le résultat à 99%.

Laboratoire d'analyses génétiques

Genindexe, SAS au capital de 100 000 € - RCS La Rochelle B 438 537 763
6, rue des Sports 17000 La Rochelle - Tél. : 05 46 30 69 66 - Fax : 05 46 30 69 68

Date : 11/04/2011

Nature des prélèvements: / *Sample* : Buccal / Buccal Swab

Date de réception / *Received* : 31/03/2011

Test(s) demandé(s) / *Test(s)*: Test de Filiation par amplification PCR de séquences microsatellites
(Panel ISAG2006 v2.1) / *Parentage test by PCR amplification of DNA microsatellite sequences (ISAG2006 v2.1 Panel)*

Code ADN / DNA code

F/G FC007318

Nom / *Name* : GEISHA PANDA GIRL DE MAYCOONFOLIES'S

Identification / *Id* : 250268500487064

Race / *Breed* : MAINE COON

Sexe / *Gender* : 28/01/2011

Date de naissance / *DOB* : F

Détenteur / *Owner* : ²PARISSE CHRISTOPHE 6 FR93400 SAINT OUEN

Préleveur certifiant l'origine des prélèvements / *Veterinarian* : Dr MAINGAUD STEPHANIE (17505) - FR75008 PARIS

Mère Présumée (Mother) Code ADN (DNA code)

F/G FC006396

Nom / *Name* : SLEEPYHOLLOW RUBY THUESDAY

Identification / *Id*:276098104025301 * STAMMBAUM 14445-10139

Race / *Breed* : MAINE COON

Père Présumé (Father) Code ADN (DNA code)

F/G FC004662

Nom / *Name* : SOMACOOON'S ELIOTT NESS

Identification / *Id*: 250269801342609 *

Race / *Breed* : MAINE COON

Résultat

FILIATION COMPATIBLE AVEC LES PARENTS PRESUMES

Fait à La Rochelle, le 11 avril 2011 / *La Rochelle (France) 2011-04-11*



Dr C. CHERBONNEL

Docteur en Génétique / PhD in Genetics

Directrice Scientifique / *Head of Laboratory*

Alexandra BIAIS

Responsable Technique / Scientific Officer

*Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse This Report concerns only the samples subjected to analysis
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral - The reproduction of
this document is authorized only in the shape of integral photographic intégral*

Date : 11/04/2011

Nature des prélèvements: / *Sample* : Buccal / Buccal Swab

Date de réception / *Received* : 31/03/2011

Test(s) demandé(s) / *Test(s)*: Test d'identification par amplification PCR de séquences microsatellites /
Identification test by PCR amplification of DNA microsatellite sequences

Code ADN / *DNA code* F/G FC007318
Nom / *Name* : GEISHA PANDA GIRL DE MAYCOONFOLIES'S
Identification / *Id* : 250268500487064 -
Race / *Breed* : MAINE COON
Sexe / *Gender* : F
Date de naissance / *DOB* : 28/01/2011
Défendeur / *Owner* : PARISSA CHRISTOPHE 6 FR93400 SAINT OUEN
Préleveur certifiant l'origine des prélèvements / *Veterinarian* : MAINGAUD STEPHANIE (17505) - FR75008 PARIS

Résultat

Identification Génétique Réalisée (ISAG 2006 v 2.1)

FCA026	FCA069	FCA075	FCA105	FCA149	FCA201	FCA220			
146/152	107/107	136/136	197/203	128/130	143/143	214/214			
FCA229	FCA293	FCA310	FCA441	FCA453	FCA649	FCA678	F/G FC007318		
168/170	179/179	136/136	151/159	188/188	126/140	204/204			

L'empreinte génétique est constituée de la combinaison allélique des marqueurs microsatellites suivants : FCA026, FCA069, FCA105, FCA149, FCA201, FCA220, FCA229, FCA293, FCA310, FCA441, FCA453, FCA649 et FCA678. Pour chaque marqueur, l'animal possède deux allèles symbolisés par des nombres.

The genetic profile is built from allelic combination of the following microsatellite loci : FCA026, FCA069, FCA075, FCA105, FCA149, FCA201, FCA229, FCA293, FCA310, FCA441, FCA453, FCA649, and FCA678. At each locus, the animal shows two alleles = numbers in the table .

Fait à La Rochelle, le 11 avril 2011/ La Rochelle (France) 2011-04-11



Dr C. CHERBONNEL
Docteur en Génétique / *PhD in Genetics*
Responsable Scientifique / Head of Laboratory

Alexandra BIAIS
Responsable Technique / *Scientific Office*

Carte d'identité génétique / Genetic identity card

PHOTO

Code ADN F/G FC007318
Nom : GEISHA PANDA GIRL DE MAYCOONFOLIES'S
Identification : 250268500487064 -
Race : MAINE COON Sexe : F
Date de naissance: 28/01/2011



Genindexe
La Génétique à votre service.

FCA026	146/152	FCA069	107/107	FCA075	136/136	FCA105	197/203
FCA149	128/130	FCA201	143/143	FCA220	214/214	FCA229	168/170
FCA293	179/179	FCA310	136/136	FCA441	151/159	FCA453	188/188
FCA649	126/140	FCA678	204/204				

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse This
Report concerns only the samples subjected to analysis
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-
similé photographique intégral - The reproduction of this document is
authorized only in the shape of integral photographic

Date : 11/04/2011

Nature des prélèvements:/ Sample : Buccal / Buccal Swab

Date de réception / Received : 31/03/2011

Date de début des travaux / Analysis Began : 31/03/2011

Test(s) demandé(s) / Test(s): Test HCM1 par amplification PCR (Détection de la mutation MYBPC3 G31C par amplification PCR / *Detection of the MYBPC3 G31C mutation by PCR*

Code ADN / DNA code)

F/G FC007318

Nom / Name : GEISHA PANDA GIRL DE MAYCOONFOLIES'S

Identification / Id: 250268500487064

Race / Breed : MAINE COON

Sexe / Gender : F

Date de naissance / DOB : 28/01/2011

Détenteur / Owner : PARISS CHRISTOPHE 6 FR93400 SAINT OUEN

Préleveur certifiant l'origine des prélèvements / Veterinarian : Dr MAINGAUD STEPHANIE (17505) - FR75008 PARIS

Résultat de Cardiomyopathie Hypertrophique / Results of Hypertrophic cardiomyopathy

Animal Homozygote (+/+) Normal Non Porteur de la Mutation HCM1
Animal Homozygote (+/+) Normal Non Carrier of the HCM1 Mutation

Homozygote normal ou (+/+) : deux allèles normaux

Hétérozygote ou (+/-) : un allèle muté et un allèle normal

Homozygote muté ou (-/-) : deux allèles mutés

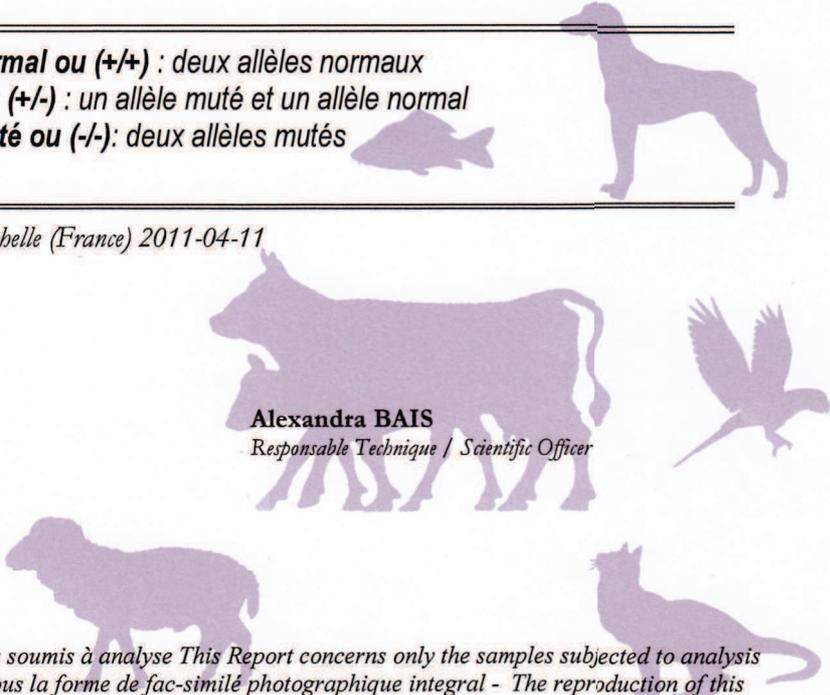
Fait à La Rochelle, le 11 avril 2011 / La Rochelle (France) 2011-04-11



Dr C. CHERBONNEL

Docteur en Génétique / PhD in Genetics

Responsable Scientifique / Head of Laboratory



Alexandra BAIS

Responsable Technique / Scientific Officer

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse This Report concerns only the samples subjected to analysis
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral - The reproduction of this document is authorized only in the shape of integral photographic intégral

CERTIFICAT GÉNÉTIQUE

Mr Christophe PARISSÉ

Appt 482
41 rue Albert Dhalenne

93400 Saint Ouen
France

Nom : **Somacoon's Eliott Ness**

Race : **Maine Coon**

N° d'identification : **250 269 801 342 609**

N° de pedigree : **LOOF 2009.9012**

Sexe : **Mâle**

Date de naissance : **00/00/00**

Préleveur : **Vétérinaire**

Dr Isabelle PASQUET

(Paris, 75008, France)

N° officiel du préleveur : **17515**

Date de prélèvement : 30/03/10

Type de prélèvement : Frottis buccal

N° de prélèvement : **206892**

Date de réception : 31/03/10

Dossier : 23627 / 13016 / 201001561 - 31/03/10

Référence : 21119 / 15879 / 45220

Test : 57037/41071

Code résultat : 34755

Polykystose rénale

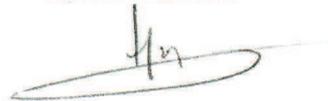
Résultat : **Homozygote normal**

Maladie testée : **Polykystose rénale**

Interprétation : L'animal possède deux copies normales du gène PKD1. L'animal ne développera pas une polykystose rénale. L'animal ne transmettra pas la mutation à sa descendance.

Résultat établi le : 02/04/10

Lina MUSELET
Ingénieur en génétique



Explications :

Ce test est spécifique de la polykystose rénale chez le chat. Le test repose sur la détection de la forme normale du gène PKD1 et de la seule forme défectueuse connue à ce jour. Le test n'est pas utilisable pour détecter d'autres formes héréditaires de polykystose rénale, d'autres formes héréditaires de maladie rénale ou d'autres affections rénales acquises durant la vie de l'animal.

CERTIFICAT GÉNÉTIQUE

Mr Christophe PARISSE
110 rue du Landy

93400 Saint Ouen
France

Nom : **Hanky Panky De Maycoonfolie's**

Race : **Maine Coon**

N° d'identification : **250 268 730 137 775**
N° de pedigree : **LOOF 2012.26408**

Sexe : **Femelle**
Date de naissance : **12/09/12**

Préleveur : **Vétérinaire
Dr Isabelle PASQUET**
(Paris, 75008, France)
N° officiel du préleveur : **17515**

Date de prélèvement : 20/07/13
Type de prélèvement : Frottis buccal
N° de prélèvement : **406926**

Date de réception : 24/07/13
Dossier : 93736 / 53888 / 201406501 - 23/07/14
Référence : 21119 / 15879 / 92830
Test : 152166/ 87693
Code résultat : 121930

Déficiencia en Pyruvate Kinase

Résultat : **Homozygote normal**

Maladie testée : **Déficiencia en Pyruvate Kinase**

Interprétation : L'animal possède deux copies normales du gène PKLR. L'animal ne développera pas la Déficiencia en Pyruvate Kinase associée à la mutation testée. L'animal ne transmettra pas la mutation à sa descendance.

Résultat établi le : 29/07/14

Lina MUSELET
Ingénieur en génétique



Explications :

Ce test est spécifique de la Déficiencia en Pyruvate Kinase chez le Chat. Le mode de transmission de cette maladie est autosomique récessif. Ce test repose sur la détection de la mutation c.693+304G>A du gène PKLR (Grahn et al. 2012). Ce test n'est pas utilisable pour détecter d'autres formes de déficiencia en pyruvate kinase, d'autres formes héréditaires de maladies métaboliques ou d'autres affections métaboliques acquises durant la vie de l'animal.

Le laboratoire ANTAGENE met en oeuvre tous les moyens en termes de fiabilité (sensibilité, spécificité), qualité et traçabilité pour garantir le résultat à 99%.



CERTIFICAT GÉNÉTIQUE

M. Christophe PARISSE

110 rue du Landy
93400 Saint Ouen
FRANCE

Nom : **Orion Mageli**

Race : **Maine Coon**

N° Identification : **967 000 009 646 034**

N° Pedigree : **PZF LO 011734**

Sexe : **Mâle**

Date de naissance : **26/05/2014**

Propriétaire :

PARISSE Christophe

93400 Saint Ouen (FR)

N° Client : C21119

N° de prélèvement : **406 921** (Authentifié)

Type de prélèvement : Frottis buccal

Date du prélèvement : 14/01/2016

Date de demande : 22/01/2016

Vétérinaire préleveur :

PASQUET Isabelle

75011 Paris (FR)

N° officiel du préleveur : **17515**

N° de dossier : 113 375

N° animal : 133 390

Code résultat : 205669

Identification génétique & groupe sanguin

FCA026	FCA069	FCA075	FCA105	FCA149	FCA201	FCA220	FCA229
QS	MN	SS	RR	HK	QQ	KK	PP
148/152	107/109	136/136	203/203	124/130	155/155	214/214	168/168
FCA293	FCA310	FCA441	FCA453	FCA649	FCA678	ZFX Y	ZGpSg
FF	RR	NO	KK	IM	LP	XY	NN
179/179	136/136	159/163	188/188	130/138	190/198	X/Y	233/233

Résultat établi le 28/01/2016

Certificat édité le 28/01/2016

Lina Muselet
Ingénieur en génétique

Explication

L'empreinte génétique est constituée d'un panel de 15 marqueurs microsatellites reconnus au niveau international et répondant à la norme ISAGF 2014. À chaque locus microsatellite, le chat possède deux allèles symbolisés par une lettre (de A à Z). La présence éventuelle du symbole (-) indique que ce marqueur n'est pas amplifiable ou analysable chez ce chat. La probabilité d'obtenir des empreintes génétiques différentes pour des individus pris au hasard dans la population est supérieure à 99,9%. Le test Groupe Sanguin repose sur la détection de l'allèle b du gène CMAH. Les 3 génotypes possible sont : (N/N) = sérotype A ou AB, non porteur b - (N/b) = sérotype A ou AB, porteur b - (b/b) = sérotype B, porteur b.

Le laboratoire ANTAGENE met en oeuvre tous les moyens en termes de fiabilité (sensibilité, spécificité), qualité et traçabilité pour garantir le résultat à 99%. Pour le Groupe Sanguin, l'état actuel des connaissances indique que le test génétique ne serait pas concordant avec le test sérologique dans environ 3% des cas.

The UK's Leading Diagnostic PCR Laboratory

Fast, reliable and accurate

www.catgenetics.co.uk

catgenetics@langfordvets.co.uk



Langford
VETERINARY SERVICES

Owner's name	Magdalena Powstansua
Address	Ul. Jesionowa 1811, 50-504 Wroclaw, Poland
Lab number	G07726
Cat's Name	Orion Mageli
Microchip number	967-000-009-646-034
Registration number	
Date of birth	
Breed	Maine Coon
Sex	Male

The cat's microchip number has been verified by:

Veterinary Surgeon Name Krzysztof Nabzdyk

Practice Registration Number 85068

Genetic test	Result	Date test run
Maine Coon HCM	Normal	18 March 2015
Polycystic kidney disease (PKD)	Normal	18 March 2015
Pyruvate kinase deficiency (PK)	Normal	20 March 2015
Blood type	Blood type A or AB (Does not carry b)	18 March 2015
SMA (Maine Coon)	Normal	18 March 2015

For interpretation of results please see our website: www.catgenetics.co.uk

We advise that you keep your veterinary surgeon updated with genetic disease test results.

Date of report: 20/03/2015

Langford Diagnostic Laboratories,
Langford House, Langford,
Bristol. BS40 5DU

tel/ fax: 0117 928 9412/ 9613
email: catgenetics@langfordvets.co.uk
web: www.langfordvets.co.uk

Dr Chris Helps
Senior Research Fellow
Head of Molecular Diagnostic Unit