

## Certificat d'Analyse(s)

**Propriétaire :** MAALLOUL Moncef  
**Elevage :** 23554  
**Demandeur :** MAALLOUL Moncef  
**Organisation :** PRO  
**Préleveur :** PASQUET Isabelle (17515)  
**Référence :** EXT20200656

**MAALLOUL Moncef**  
137 rue OBERKAMPF  
75011 PARIS

**Date de prélèvement :** 02/11/2020

**Date de réception :** 04/11/2020

**Nombre de prélèvements :** 1

**Nature des prélèvements :** Buccal (brossette)

**Espèce :** CHAT

**Race :** MCO - Maine Coon

**Date de naissance :** 19/03/2020

**Sexe :** Femelle


### Identification génétique par ADN

**Date d'exécution :** 12/11/2020

Identification : RUBY RED PP DE MAYCOONFOLIE S/250269100088803 - Code ADN : FC38020									
FCA026	FCA069	FCA075	FCA105	FCA149	FCA201	FCA220	FCA229	FCA293	FCA310
150/156	93/107	136/136	195/199	122/130	155/157	214/214	168/168	179/189	136/136
FCA441	FCA453	FCA649	FCA678	ZSRY					
159/163	188/188	126/126	190/196	X/X					

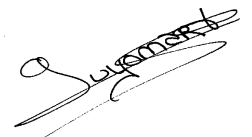
L'identification génétique est réalisée par PCR (méthode ANAACR05) à l'aide de 15 marqueurs microsatellites, indiqués dans le tableau de résultats ci-dessus, validés scientifiquement au niveau international par l'ISAG (International Society for Animal Genetics). Ce panel de marqueurs répond à la version ISAG 2006 v2.1. Pour chaque marqueur, l'animal possède deux allèles symbolisés par des nombres. Une identification génétique ne peut être considérée comme valide et ne peut être transmise que si le nombre de marqueurs microsatellites génotypés est égal à un minimum de 9 marqueurs dont 8 du core panel.

#### Carte d'identité génétique / Genetic identity card

<b>PHOTO</b>	<b>Code ADN :</b> FC38020						
	<b>Nom :</b> RUBY RED PP DE MAYCOONFOLIE S						
	<b>Identification :</b> 250269100088803						
	<b>Race :</b> MCO:Maine Coon						
	<b>Sexe :</b> Femelle						
	<b>Date de naissance :</b> 19/03/2020						
<b>Genindexe</b> La Génétique à votre service							
FCA026	150/156	FCA069	93/107	FCA075	136/136	FCA105	195/199
FCA149	122/130	FCA201	155/157	FCA220	214/214	FCA229	168/168
FCA293	179/189	FCA310	136/136	FCA441	159/163	FCA453	188/188
FCA649	126/126	FCA678	190/196	ZSRY	X/X		

**Fait à Loudéac, le 17/11/2020**

Anne-Sophie Guyomard  
Technicienne PCR



Certificat d'analyse d'identification génétique- ANAACR 01 EN 02-  
date:17/04/2013 - I.R.:01  
Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.  
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé  
photographique intégral.

## Certificat d'Analyse(s)

---

<b>Propriétaire :</b> MAALLOUL Moncef	<b>MAALLOUL Moncef</b>
<b>Elevage :</b> 23554	
<b>Demandeur :</b> MAALLOUL Moncef	137 rue OBERKAMPF
<b>Organisation :</b> PRO	
<b>Préleveur :</b> PASQUET Isabelle (17515)	75011 PARIS
<b>Référence :</b> EXT20200656	

---

<b>Date de prélèvement :</b> 02/11/2020	<b>Date de réception :</b> 04/11/2020
<b>Nombre de prélèvements :</b> 3	
<b>Espèce :</b> CHAT	<b>Race :</b> MCO - Maine Coon
<b>Remarques :</b> LOOF 2018.29846	

---

### Filiation - contrôle de parenté

Date d'exécution : 17/11/2020

Mère(s) présumée(s)	Compatibilité(s)
<b>EY0029750</b> OLLY BEE DE MAYCOONFOLIE S 250268501508167 - né(e) le 26/04/2018 Nature du prlvt : ADN LOOF 2018.29846	...
Père(s) présumé(s)	Compatibilité(s)
<b>FC24653</b> ZAFIR GOOD HEART 900113001109858 - né(e) le 07/01/2019 Nature du prlvt : Sang	...
Produit(s)	Compatibilité(s)
<b>FC38020</b> RUBY RED PP DE MAYCOONFOLIE S 250269100088803 - Femelle - né(e) le 19/03/2020 Nature du prlvt : Buccal (brossette)	<b>Compatible avec le(s) parent(s) EY0029750, FC24653</b>

Règles d'interprétation (protocole de coopération LOOF-GENINDEXE/ méthode interne ANAACR 05):

- Une filiation ne peut être interprétée que lorsque le nombre de marqueurs microsatellites génotypés communs entre le descendant et ses parents est au minimum égal à 8 du core panel.
- Une filiation est incompatible lorsqu'au moins deux marqueurs ne respectent pas les lois de la transmission héréditaire. Première loi : un produit doit avoir reçu un allèle de chacun de ses deux parents. Deuxième loi : un parent doit avoir transmis l'un de ses deux allèles à son produit.



Certificat d'analyse de filiation-contrôle de parenté - ANAACR 01 EN 03 -  
date:17/04/2013 - I.R.:01

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.  
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé  
photographique intégral.

Fait à Loudéac, le 17/11/2020

Anne-Sophie Guyomard  
Technicienne PCR

## Certificat d'Analyse(s)

**Propriétaire :** MAALLOUL Moncef  
**Elevage :** 23554  
**Demandeur :** MAALLOUL Moncef  
**Organisation :** PRO  
**Préleveur :** PASQUET Isabelle (17515)  
**Référence :** EXT20200656

**MAALLOUL Moncef**  
137 rue OBERKAMPF  
75011 PARIS

**Date de prélèvement :** 02/11/2020  
**Nombre de prélèvements :** 1  
**Espèce :** CHAT  
**Date de naissance :** 19/03/2020

**Date de réception :** 04/11/2020  
**Nature des prélèvements :** Buccal (brossette)  
**Race :** MCO - Maine Coon  
**Sexe :** Femelle

### Pyruvate Kinase Deficiency (Pkdef)

**Date d'exécution :** 12/11/2020

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC38020 Nom : RUBY RED PP DE MAYCOONFOLIE S Puce : 250269100088803		NORMAL (+/+)

La présence de la mutation *c.693+304G>A* présente sur le gène *PKLR* est recherchée.

Cette mutation est responsable du Déficit en pyruvate kinase (PKDef) chez les chats de races : Abyssin/Somali, Bengal, Mau Egyptien, LaPerm, Maine Coon, Norvégien, Savannah, Sibérien, Singapura, Ocicat, Domestic longhair et shorthair.

Cette mutation se transmet de manière autosomique récessive ; Seuls les individus ayant reçu 2 allèles mutés (génotype -/-) sont considérés comme atteints par la maladie. Les individus ayant reçu un seul allèle muté (génotype +/-) sont considérés comme porteur de la maladie - ils ne développeront pas la maladie mais ont 50% de chance de transmettre héréditairement la mutation à leurs descendants. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.

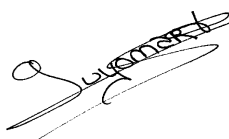
NORMAL (+/+): animal homozygote normal, non porteur de la mutation

PORTEUR (+/-): animal hétérozygote porteur de la mutation

ATTEINT (-/-): animal homozygote atteint

**Fait à Loudéac, le 16/11/2020**

Anne-Sophie Guyomard  
Technicienne PCR



Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.  
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

## Certificat d'Analyse(s)

**Propriétaire :** MAALLOUL Moncef  
**Elevage :** 23554  
**Demandeur :** MAALLOUL Moncef  
**Organisation :** PRO  
**Préleveur :** PASQUET Isabelle (17515)  
**Référence :** EXT20200656

**MAALLOUL Moncef**  
137 rue OBERKAMPF  
75011 PARIS

**Date de prélèvement :** 02/11/2020

**Date de réception :** 04/11/2020

**Nombre de prélèvements :** 1

**Nature des prélèvements :** Buccal (brossette)

**Espèce :** CHAT

**Race :** MCO - Maine Coon

**Date de naissance :** 19/03/2020

**Sexe :** Femelle

### Cardio-Myopathie Hypertrophique (HCM-MC)

**Date d'exécution :** 12/11/2020

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC38020 Nom : RUBY RED PP DE MAYCOONFOLIE S Puce : 250269100088803		NORMAL (+/+)

*La présence de la mutation A31P présente sur le gène MyBPC3 est recherchée.*

*Cette mutation est responsable de la Mycardiopathie hypertrophique (HCM) chez les chats de race Maine Coon.*

*Cette mutation se transmet de manière autosomique dominante. Les individus ayant reçu un allèle muté pourront développer la maladie plus ou moins tard et avec une intensité différente. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.*

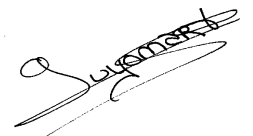
*NORMAL (+/+): animal homozygote normal, non porteur de la mutation*

*PORTEUR (+/-): animal hétérozygote porteur de la mutation*

*ATTEINT (-/-): animal homozygote atteint*

**Fait à Loudéac, le 16/11/2020**

Anne-Sophie Guyomard  
Technicienne PCR



*Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.  
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé  
photographique intégral.*

## Certificat d'Analyse(s)

**Propriétaire :** MAALLOUL Moncef  
**Elevage :** 23554  
**Demandeur :** MAALLOUL Moncef  
**Organisation :** PRO  
**Préleveur :** PASQUET Isabelle (17515)  
**Référence :** EXT20200656

**MAALLOUL Moncef**  
137 rue OBERKAMPF  
75011 PARIS

**Date de prélèvement :** 02/11/2020

**Date de réception :** 04/11/2020

**Nombre de prélèvements :** 1

**Nature des prélèvements :** Buccal (brossette)

**Espèce :** CHAT

**Race :** MCO - Maine Coon

**Date de naissance :** 19/03/2020

**Sexe :** Femelle

### Spinal Muscular Atrophy (SMA)

**Date d'exécution :** 12/11/2020

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC38020 Nom : RUBY RED PP DE MAYCOONFOLIE S Puce : 250269100088803		NORMAL (+/+)

La présence de la mutation " 140kb del (exons 4-6) " présente sur le gène LIX1 est recherchée.

Cette mutation est responsable de l'atrophie musculaire spinale (SMA) chez les chats de race Maine Coon.

Cette mutation se transmet de manière autosomique récessive ; Seuls les individus ayant reçu 2 allèles mutés (génotype -/-) sont considérés comme atteints par la maladie. Les individus ayant reçu un seul allèle muté (génotype +/-) sont considérés comme porteur de la maladie - ils ne développeront pas la maladie mais ont 50% de chance de transmettre héréditairement la mutation à leurs descendants. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.

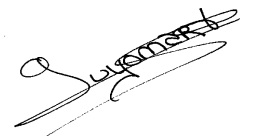
NORMAL (+/+): animal homozygote normal, non porteur de la mutation

PORTEUR (+/-): animal hétérozygote porteur de la mutation

ATTEINT (-/-): animal homozygote atteint

**Fait à Loudéac, le 16/11/2020**

Anne-Sophie Guyomard  
Technicienne PCR



Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.  
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

## Certificat d'Analyse(s)

**Propriétaire :** MAALOUL Moncef  
**Elevage :** 23554  
**Demandeur :** MAALOUL Moncef  
**Organisation :** PRO  
**Préleveur :** PASQUET Isabelle (17515)  
**Référence :** EXT20200656

**MAALOUL Moncef**  
137 rue OBERKAMPF  
75011 PARIS

**Date de prélèvement :** 02/11/2020

**Date de réception :** 04/11/2020

**Nombre de prélèvements :** 1

**Nature des prélèvements :** Buccal (brossette)

**Espèce :** CHAT

**Race :** MCO - Maine Coon

**Date de naissance :** 19/03/2020

**Sexe :** Femelle

### GS ADN

**Date d'exécution :** 12/11/2020

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC38020 Nom : RUBY RED PP DE MAYCOONFOLIE S Puce : 250269100088803		nonb/nonb

GS ADN ou Groupe Sanguin par ADN

Résultat nonb/nonb: aucune allèle b détectée, groupe sanguin A ou AB. Résultat nonb/b : 1 allèle b détectée, groupe sanguin A ou AB.  
Résultat b/b : 2 allèles b détectées, groupe sanguin B.

Dans l'état actuel des connaissances, ce test est valable chez de nombreuses races de chats mais peut présenter des exceptions parmi les races suivantes : Angora turc, Ragdoll, Bengal, Chaussie, Savannah, Sibérien, Sphynx et European Shorthair.

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.  
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

**Fait à Loudéac, le 16/11/2020**

Anne-Sophie Guyomard  
Technicienne PCR

